DOI: https://doi.org/10.22263/2312-4156.2020.3.50

ПОЛИМОРФИЗМЫ ГЕНОВ ТРАНСФОРМИРУЮЩЕГО РОСТОВОГО ФАКТОРА $\beta1$ И МАТРИКСНОЙ МЕТАЛЛОПРОТЕИНАЗЫ 9 КАК МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧЕСКИЕ ПРЕДИКТОРЫ ФОРМИРОВАНИЯ ИСТМИКО-ЦЕРВИКАЛЬНОЙ НЕДОСТАТОЧНОСТИ У ПАЦИЕНТОК С НЕДИФФЕРЕНЦИРОВАННОЙ ДИСПЛАЗИЕЙ СОЕДИНИТЕЛЬНОЙ ТКАНИ

кононенко и.с.

Витебский государственный ордена Дружбы народов медицинский университет, г. Витебск, Республика Беларусь

Вестник ВГМУ. - 2020. - Том 19, №3. - С. 50-58.

GENES POLYMORPHISMS OF TRANSFORMING GROWTH FACTOR $\beta 1$ AND MATRIX METALLOPROTEINASE 9 AS MOLECULAR AND GENETIC PREDICTORS OF ISTHMIC-CERVICAL INSUFFICIENCY DEVELOPMENT IN FEMALE PATIENTS WITH UNDIFFERENTIATED CONNECTIVE TISSUE DYSPLASIA

KONONENKO I.S.

Vitebsk State Order of Peoples' Friendship Medical University, Vitebsk, Republic of Belarus

Vestnik VGMU. 2020;19(3):50-58.

Резюме.

Учитывая высокую распространённость недифференцированной дисплазии соединительной ткани (НДСТ) среди женщин репродуктивного возраста (от 53% до 68,8%), представляется актуальным определение роли генетически детерминированного аномального метаболизма соединительной ткани на фоне НДСТ в генезе истмико-цервикальной недостаточности (ИЦН).

Цель исследования – изучить ассоциацию полиморфизмов A-8202G (rs11697325) гена матриксной металлопротеиназы 9 (MMP9) и Arg25Pro (rs1800471) гена трансформирующего ростового фактора бета 1 (TGFβ1) с истмикоцервикальной недостаточностью у пациенток с недифференцированной дисплазией соединительной ткани.

Материал и методы. В рамках исследования типа «случай-контроль» обследована 71 пациентка с одноплодной маточной беременностью в сроке 22-24 недели. Основная группа – 36 пациенток с ИЦН и НДСТ, группа контроля – 35 здоровых беременных без ИЦН. Проведен анализ акушерско-гинекологического, соматического анамнеза. Методом аллель-специфичной полимеразной цепной реакции (АС-ПЦР) выполнено молекулярно-генетическое типирование обследуемых пациенток по полиморфным локусам генов ТСБВ1, ММР9, кодирующих белки, которые участвуют в метаболизме соединительной ткани. Содержание ТСБВ1 и ММР9 в сыворотке крови обследованных пациенток определяли методом твердофазного иммуноферментного анализа (ИФА).

Результаты и обсуждение. В основной группе статистически значимо чаще по сравнению с группой контроля регистрировались гомозиготный по вариантному аллелю -8202G (G/G) генотип полиморфизма A-8202G гена ММР9 (OP=4,00; 95% ДИ 1,23-12,98; p=0,02) и гетерозиготный (Arg/Pro) генотип полиморфизма Arg25Pro гена TGF β 1 (OP=3,75; 95% ДИ 1,88-7,47; p<0,0001). Установлена ассоциация указанных генотипов со статистически значимым возрастанием сывороточной концентрации кодируемых ими белков, что позволяет рассматривать данные полиморфные варианты генов TGF β 1 и ММР9 в качестве генетических маркеров формирования ИЦН у пациенток с НДСТ.

Заключение. Носительство G/G генотипа полиморфизма A-8202G (rs11697325) гена MMP9 и Arg/Pro генотипа полиморфизма Arg25Pro (rs1800471) гена TGF β 1 ассоциировано с высоким риском формирования ИЦН у пациенток с НДСТ.

Ключевые слова: полиморфизм гена, истмико-цервикальная недостаточность, недифференцированная дисплазия соединительной ткани, трансформирующий ростовой фактор β1 (TGFβ1), матриксная металлопротеиназа 9 (MMP9).

Abstract.

Undifferentiated connective tissue dysplasia is a widespread condition among reproductive age women (from 53% to 68.8%). This makes it actual to study the role of genetically determined pathological connective tissue metabolism in female patients with this hereditary syndrome in the development of isthmic-cervical insufficiency (CI).

Objectives. To assess the association between single nucleotide polymorphisms (SNPs) A-8202G (rs11697325) MMP9 of the gene, and also Arg25Pro (rs1800471) TGF β 1 gene and isthmic-cervical insufficiency in female patients with undifferentiated connective tissue dysplasia.

Material and methods. A «case-control» study has been carried out. Medical, obstetric histories and blood samples were obtained from 71 pregnant women at 22-24 weeks of singleton pregnancy with (n=36) and without (n=35) undifferentiated connective tissue dysplasia and CI. Samples were analyzed by using an allele-specific polymerase chain reaction assay for variants in two genes, the MMP9 and TGFβ1, encoding proteins, participating in connective tissue metabolism. Serum levels of MMP9 and TGFβ1 were determined by enzyme immunoassay (ELISA).

Results. Two genotypes were significantly associated with isthmic-cervical insufficiency compared with controls: homozygous carriers of the MMP9 -8202G allele (genotype G/G) (OR=4.00, 95% CI 1.23-12.98, p=0.02) and carriers of Arg/Pro genotype of the TGF β 1 (OR=3.75, 95% CI 1.88-7.47, p<0.0001). Carriers of these genotypes had significantly higher serum levels of encoded by them proteins.

Conclusions. GG genotype of the A-8202G polymorphism of MMP9 gene and ArgPro genotype of the Arg25Pro polymorphism of TGF β 1 gene are associated with a high risk of isthmic-cervical insufficiency development in female patients with undifferentiated connective tissue dysplasia.

Key words: gene polymorphism, isthmic-cervical insufficiency, undifferentiated connective tissue dysplasia, transforming growth factor $\beta 1$ (TGF $\beta 1$), matrix metalloproteinase 9 (MMP9).

В последние годы широкое распространение получают исследования, посвящённые выявлению ассоциаций полиморфных вариантов генов с определённым заболеванием. Такой интерес научного сообщества объясним: определение генетической детерминанты позволит не только уточнить патогенез болезни, но и разработать оптимальные подходы к её лечению с учетом индивидуальности каждого пациента. Активное развитие молекулярно-биологических, биохимических наук способствует пересмотру традиционных представлений, в том числе и об истмико-цервикальной недостаточности (ИЦН), которая остаётся весьма актуальной проблемой современного акушерства, являясь одной из основных причин поздних репродуктивных потерь: на долю ИЦН приходится 15-40% поздних самопроизвольных выкидышей и 30-35% спонтанных преждевременных родов [1, 2]. Все больше исследователей указывает на связь между дисплазией соединительной ткани и развитием ИЦН, отмечая негативное влияние недифференцированной дисплазии соединительной ткани (НДСТ) на запирательную функцию шейки матки во время беременности, более высокую частоту ИЦН

у беременных с указанным синдромом, а также определённую генетическую детерминированность данного гестационного осложнения: треть беременных с ИЦН имеют родственниц первой линии с таким же осложнением гестации [3]. Известно, что при ИЦН содержание соединительной ткани в шейке матки, на 85% состоящей из коллагена I типа, снижается до 40%, что приводит к раннему ее укорочению, размягчению, развитию функциональной недостаточности. Кроме того, гистоморфологические исследования ткани шейки матки у небеременных с ИЦН в анамнезе позволили выявить более низкую концентрацию как коллагена, так и его метаболита – гидроксипролина в сравнении с аналогичными показателями пациенток без ИЦН в анамнезе [4-6]. Таким образом, всё больше авторов рассматривает патологический метаболизм соединительной ткани в качестве одного из ключевых факторов формирования ИЦН [7-9].

К рассмотрению проблемы ИЦН с позиций наследственных факторов риска располагают и данные о зависимости частоты развития данного гестационного осложнения от расы. Так, у женщин негроидной расы риск развития ИЦН почти

в 3 раза выше по сравнению с европеоидами (относительный риск (OP)=2,89; 95% доверительный интервал (ДИ) 2,13-3,92) [10]. Важность участия генетических факторов в реализации ИЦН также подтверждается и результатами многочисленных исследований, свидетельствующих, что у женщин с дифференцированными формами дисплазии соединительной ткани (синдромы Эллерса-Данло, Стиклера, Марфана) частота преждевременных родов, связанных с ИЦН, колеблется от 22 до 35% от общего числа родов, причем до 40% из них сопровождаются преждевременным разрывом плодных оболочек [11].

Поскольку распространённость недифференцированных форм дисплазии среди женщин репродуктивного возраста достаточно высока (от 53% до 68,8%) [12], изучение ИЦН с точки зрения НДСТ приобретает особую актуальность.

НДСТ относится к наследственным заболеваниям соединительной ткани и обусловлена точковыми мутациями генов, кодирующих синтез и метаболизм соединительной ткани. Следствием таких мутаций является нарушение процессов формирования и созревания пространственной структуры волокон коллагена и эластина, в результате чего происходит снижение их устойчивости к механическим нагрузкам, ускорение дезорганизации и деградации. В отличие от дифференцированных форм дисплазии, имеющих чётко установленные генный дефект, тип наследования, клиническую картину заболевания - данная группа дисплазий выделяется весьма вариабельной клинической картиной и комплексом фенотипических признаков, который не соответствует ни одной из синдромных форм [12, 13].

Таким образом, гены, кодирующие метаболизм соединительной ткани, представляются наиболее перспективными для изучения в заявленном контексте. В качестве генов-кандидатов были выбраны гены, кодирующие продукцию матриксной металлопротеиназы 9 (ММР9) и трансформирующего ростового фактора бета 1 (ТGFβ1).

ММР9, или желатиназа В, относится ко второму подсемейству цинк-зависимых эндопептидаз. Субстратом для ММР9 являются денатурированный коллаген І типа, нативные коллагены типов IV, V, энтактин, соединяющий ламинин и коллаген IV типа, который является основным компонентом базальной мембраны многих фиброзных органов, в том числе и шейки матки. В результате повышения активности ММР9 проис-

ходит массивный апоптоз и ускоренное отщепление от базальной мембраны клеток и элементов соединительной ткани, что приводит к стремительному снижению её прочностных характеристик. Рядом исследователей отмечены высокие сывороточные концентрации ММР9 при преждевременных родах, а также непосредственное участие указанного фермента в преждевременном разрыве плодных оболочек [14, 15].

ТGFβ1 принимает активное участие в ремоделировании соединительной ткани посредством влияния на синтез белков экстрацеллюлярного матрикса (коллагенов I, III типов и фибронектина). Известно, что увеличенная активность ТGFβ1 является одним из ключевых факторов развития таких патологических процессов при синдроме Маррфана и родственных наследственных дисплазиях соединительной ткани, как аневризма и расслоение аорты, гипермобильность суставов, миксоматозные изменения атриовентрикулярных клапанов. Следует отметить, что ТGFβ1 увеличивает продукцию MMP9 в клетках различных типов через процесс, захватывающий синтез протеина, увеличивающего стабильность мРНК ММР9. С другой стороны, увеличенная ММР9, напротив, способна расщеплять латентный TGF_β1, приводя к активации последнего по принципу обратной связи [16].

Цель исследования — изучить ассоциацию полиморфизмов A-8202G (rs11697325) гена ММР9 и Arg25Pro (rs1800471) гена ТGFβ1 с истмико-цервикальной недостаточностью у пациенток с недифференцированной дисплазией соединительной ткани.

Материал и методы

Проведено исследование типа «случай-контроль» с участием 71 беременной, наблюдав-шейся на базе УЗ «ВГКРД№2» в 2018-2019 гг. Обследованные женщины были разделены на 2 группы в зависимости от наличия ИЦН и маркеров НДСТ. В основную группу (І группа) вошли 36 пациенток с ИЦН и НДСТ, группу контроля (ІІ группа) составили 35 здоровых беременных без ИЦН.

В исследование не включались пациентки с беременностью, наступившей в результате применения вспомогательных репродуктивных технологий, многоплодной беременностью, ампутацией шейки матки в анамнезе, декомпенсацией акушерской и экстрагенитальной патологии, по-

роками развития плода, дифференцированными формами дисплазии соединительной ткани.

Исследование было выполнено в соответствии со стандартами надлежащей клинической практики (Good Clinical Practice) и принципами Хельсинкской Декларации. Протокол исследования был одобрен этическим комитетом УО «Витебский государственный ордена Дружбы народов медицинский университет». До включения в исследование у всех участниц было получено письменное информированное согласие.

Обследование беременных включало изучение соматического и акушерско-гинекологического анамнезов, антропометрию (измерение роста, массы тела, определение индекса массы тела), оценку выраженности фенотипических маркеров НДСТ (по ранжированной шкале оценки НДСТ у беременных Керимкуловой Н.В., 2016), определение гипермобильности суставов (по методу Бейтона), осмотр шейки матки в зеркалах, бимануальное влагалищное исследование, трансвагинальную ультразвуковую цервикометрию. Диагностика ИЦН осуществлялась на основании данных клинического исследования и трансвагинальной ультразвуковой цервикометрии (длина сомкнутой части шейки матки ≤ 25 мм, соотношение длины шейки матки к ее диаметру на уровне внутреннего зева менее 1,2, расширение внутреннего зева более 5 мм).

Лабораторное исследование включало молекулярно-генетическое типирование обследуемых пациенток по полиморфным локусам Arg25Pro (915G>C; rs1800471) гена ТGFβ1 и A-8202G (rs11697325) гена ММР9, а также определение содержания TGF_β1 и MMP₉ в сыворотке крови. ДНК из лейкоцитов крови выделяли с помощью коммерческого набора «ДНК-экспресскровь» (НПФ «Литех», РФ). Генотипирование осуществляли с использованием соответствующих коммерческих наборов для выявления мутаций (полиморфизмов) в геноме человека «SNР-экспресс» (НПФ «Литех», РФ) методом аллель-специфичной полимеразной цепной реакции с детекцией результатов методом горизонтального электрофореза в 3% агарозном геле по стандартной схеме.

Содержание ММР9 и ТGF β 1 в образцах сыворотки крови определяли с помощью коммерческих тест-систем «Human TGF β 1 Elisa Kit», «Human MMP-9 Elisa Kit», («Elabscience Biotechnology Co., Ltd», Китай) методом иммуноферментного анализа (ИФА). Учёт результатов

проводился с помощью программного обеспечения, адаптированного к ИФА-анализатору производства ОАО «Витязь», Республика Беларусь (фотометр универсальный Ф300 ТП).

Накопление, корректировка, систематизация исходной информации и визуализация полученных результатов осуществлялись в электронных таблицах Microsoft Office Excel 2016. Статистический анализ проводился с использованием программы STATISTICA 10.0 (разработчик StatSoft.Inc). Количественные показатели оценивались на предмет соответствия нормальному распределению с помощью критериев Шапиро-Уилка. Все результаты количественных показателей подчинялись нормальному закону распределения и представлены в виде M±SD, где М – среднее арифметическое, SD – стандартное отклонение. При анализе межгрупповых различий количественных признаков между двумя независимыми группами рассчитывался t-критерий Стьюдента. С целью сравнения распределения качественных признаков в исследуемых группах использовали критерий Пирсона χ -квадрат (χ^2) с поправкой Йетса на непрерывность. В качестве показателя тесноты связи между количественными показателями, имеющими нормальное распределение, использовался коэффициент корреляции rxy Пирсона.

Распределение генотипов по исследуемым полиморфными локусам проверено на соответствие равновесию Харди-Вайнберга с помощью теста Фишера. Качественные данные представлены в виде числа п и % (число пациенток - носительниц данного аллеля и процент от их количества в группе исследуемых) или десятичной доли единицы (Р). Межгрупповые различия по частотам распределения генотипов полиморфных вариантов изучаемых генов определяли при помощи критерия Пирсона у-квадрат (у2). Для анализа ассоциации аллелей и генотипов исследуемых генов с риском развития гестационного осложнения рассчитан относительный риск (ОР) с 95% доверительными интервалами (ДИ). При всех видах статистического анализа различия считались значимыми при р<0,05.

Результаты и обсуждение

Пациентки обеих групп были сопоставимы по возрасту: средний возраст пациенток в основной группе составил $28,9\pm4,5$ года, в контрольной группе $-29,3\pm5,4$ года.

Среди беременных основной группы наиболее часто фигурировали такие фенотипические и висцеральные маркеры дисплазии, как варикозная болезнь (диагностирована у 52,7% пациенток), пролапс митрального клапана (44,4%), миопия (61,1%), спланхноптоз (25%).

У беременных с НДСТ статистически значимо чаще имел место неблагоприятный исход предыдущей беременности: преждевременное прерывание беременности встречалось у 41,6% беременных основной группы против 11,4% случаев – в контрольной (OP=3,64; 95% ДИ 1,34-9,91; p=0,005), неразвивающаяся беременность имела место в анамнезе у 33,3% и 11,4% пациенток соответственно (OP=2,9; 95% ДИ 1,04-8,18; p=0,03).

По паритету беременности, а также по частоте и характеру гинекологической патологии основная и контрольная группы между собой не различались.

Ведущее место в структуре осложнений настоящей беременности у женщин основной группы занимали гестационные осложнения, ассоциированные с невынашиванием: достоверно чаще в сравнении с группой контроля у беременных с ИЦН и НДСТ диагностировались в І триместре угрожающий и начавшийся выкидыш (55,6% против 31,4%, OP=1,8; 95% ДИ 1,01-3,12; p=0,041), ретрохориальная гематома (30,5% про-

тив 8,6%, OP=3,4; 95% ДИ 1,05-11,35; p=0,024), во II и III триместрах в 2,4 раза чаще – преждевременное излитие околоплодных вод (OP=2,43; 95% ДИ 1,23-4,77; p=0,07).

У беременных основной группы среднее значение концентрации ММР9 в сыворотке крови в 1,4 раза превысило значение данного показателя в группе контроля (1,43 \pm 0,34 нг/мл против 1 \pm 0,35 нг/мл, p=0,000002), уровень сывороточной концентрации ТGF β 1 в основной группе также статистически значимо превысил значение данного показателя в контрольной группе (32,2 \pm 12,0 нг/мл против 16,4 \pm 5,7 нг/мл, p<0,0001), что свидетельствует об усиленном коллагенолизе у пациенток с ИЦН на фоне НДСТ.

Нами установлена обратная умеренная статистически значимая корреляция между длиной шейки матки и уровнем ММР9 в сыворотке крови у пациенток основной группы (r=-0,49, p=0,0025) (рис. 1).

Характер распределения аллелей и генотипов по полиморфным вариантам исследуемых генов в обеих группах соответствовал равновесию Харди–Вайнберга. Полученные результаты распространенности полиморфных аллелей генов ММР9 и TGFβ1 у женщин контрольной группы совпали с соответствующими данными базы данных NCBI (db SNP).

При анализе распределения частот геноти-

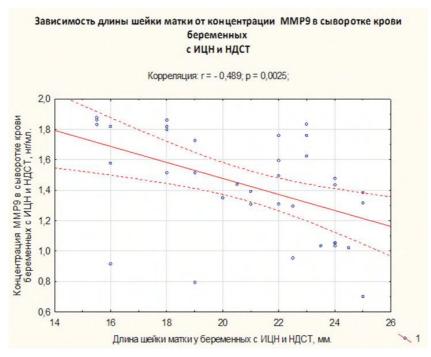


Рисунок 1 — Зависимость длины шейки матки от сывороточной концентрации ММР9 у пациенток основной группы.

пов по полиморфизму A-8202G гена ММР9 было установлено, что гомозиготный по вариантному аллелю -8202G (G/G) генотип статистически значимо чаще встречался в основной группе по сравнению с группой контроля (OP=4,00; 95% ДИ 1,23-12,98; p=0,02). В целом, вариантный аллель -8202G можно расценивать как «аллель риска» развития ИЦН у пациенток с НДСТ, так как было выявлено, что его присутствие в генотипе как в гомо-, так и в гетерозиготном состоянии ассоциировано с более высокой частотой встречаемости данного гестационного осложнения (OP=1,84; 95% ДИ 1,01-3,39; p=0,04) (табл. 1).

При анализе распределения частот генотипов по полиморфизму Arg25Pro гена $TGF\beta1$ в основной группе была зарегистрирована статистически значимо более высокая частота встречаемости по сравнению с группой контроля гетерозиготного генотипа (Arg/Pro) данного полиморфного локуса ($OP=3,75;\ 95\%$ ДИ 1,88-7,47; p<0,0001). Интересно отметить, что гомозиготный по аллели Arg25- генотип (Arg/Arg)

чаще встречался именно в контрольной группе (OP=0,29; 95% ДИ 0,15-0,6; p<0,0001) (табл. 2).

В ходе проведенного исследования зависимости концентрации ММР9 в сыворотке крови обследованных пациенток от генотипа по полиморфизму A-8202G гена ММР9 было установлено, что у пациенток с наличием «мутантного» аллеля -8202G (A/G и G/G генотипы), содержание ММР9 было статистически значимо выше, чем у носительниц генотипа A/A, и составило $1,31\pm0,43$ нг/мл против $1,08\pm0,31$ нг/мл (p=0,021). Причем наиболее высокий уровень ММР9 был выявлен у беременных с генотипом G/G (табл. 3).

При изучении влияния генотипов полиморфизма Arg25Pro гена TGFβ1 на сывороточную концентрацию кодируемого им белка была выявлена сопряженность генотипа Arg/Pro указанного полиморфизма со статистически значимо более высокой сывороточной концентрацией TGFβ1 в сравнении с данным показателем у носительниц гомозиготного генотипа по аллелю Arg25- (табл. 4). Таким образом, наличие у пациенток с НДСТ

Таблица 1 – Распределение частот генотипов по полиморфизму A-8202G гена MMP9 у пациенток основной и контрольной групп

Генотип, аллель	Частота, Р					
	ИЦН+НДСТ (n=36)	Контрольная группа (n=35)	χ2	p	OP	95% ДИ
A/A	0,28	0,48	3,26	0,07	0,57	0,30-1,07
A/G	0,38	0,43	0,12	0,73	0,90	0,52-1,59
G/G	0,34*	0,09	5,39	0,02	4,00	1,23-12,98
Аллель А-8202	0,47	0,7	3,31	0,07	0,68	0,46-1,04
Аллель 8202G	0,53*	0,3	4,30	0,04	1,84	1,01-3,39

Примечание: * – различия статистически значимы по сравнению с группой контроля (p<0,05); OP – относительный риск; ДИ – доверительный интервал.

Таблица 2 — Распределение частот генотипов по полиморфизму Arg25Pro гена $TGF\beta1$ у пациенток основной и контрольной групп

Генотип, аллель	Частота, Р					
	ИЦН+НДСТ (n=36)	Контрольная группа (n=35)	χ2	p	OP	95% ДИ
Arg/Arg	0,19*	0,66	15,57	0,0001	0,29	0,15-0,6
Arg/Pro	0,75*	0,2	21,51	0,0001	3,75	1,88-7,47
Pro/Pro	0,05	0,14	0,69	0,40	0,39	0,08-1,87
Аллель Arg25	0,57	0,74	2,73	0,1	0,75	0,53-1,06
Аллель 25Pro	0,43	0,26	2,02	0,16	1,62	0,82-3,21

Примечание: * – различия статистически значимы по сравнению с группой контроля (р<0,05).

Таблица 3 — Зависимость сывороточной концентрации MMP9 от генотипа по полиморфизму A-8202G гена MMP9 у обследованных пациенток

	Генотип			t Tests o		
Концентрация	I	II	III	t-Test; p		
	A/A (n=27)	A/G (n=29)	G/G (n=15)	P _{I-II}	P _{I- III}	$P_{\text{II-III}}$
ММР-9, нг/мл	1,30±0,24	1,33±0,36	1,68±0,23*	0,88	0,0017	0,007

Примечание: * – различия статистически значимы при сравнении с показателями I и II группы (p<0,05).

Таблица 4 — Зависимость сывороточной концентрации $TGF\beta 1$ по полиморфизму Arg25Pro гена $TGF\beta 1$ у обследованных пациенток

	Генотип			1 T. 1		
Концентрация	I	II	III	t-Test; p		
_	Arg/Arg (n=30)	Arg/Pro (n=34)	Pro/Pro (n=7)	P _{1-II}	P _{1- 111}	$P_{\text{II-III}}$
ТGFβ1, нг/мл	21,16±13,05	27,81±12,04*	23,25±6,37	0,039	0,82	0,21

Примечание: * – различия статистически значимы при сравнении с показателями I группы (p<0,05).

«мутантных» генотипов генов ММР9 и ТGF β 1 связано со статистически значимым увеличением сывороточной концентрации кодируемых ими белков.

Полученные результаты позволяют рассматривать указанные полиморфные варианты генов ТGFβ1 и ММР9 в качестве генетических маркеров формирования ИЦН у пациенток с НДСТ.

При анализе исходов настоящей беременности у обследуемых пациенток было выявлено, что частота преждевременных родов в основной группе составила 36,11% против 2,86% случаев в контрольной группе (OP=12,63; 95% ДИ 1,74-91,45; p=0,0006). Обращает на себя внимание, что в структуре преждевременных родов у пациенток с ИЦН и НДСТ превалировали очень ранние (до 28 недель) и ранние (от 28 недель до 33 недель 6 дней) преждевременные роды – 7 (53,8%) случаев, тогда как единственные преждевременные роды, имевшие место в группе контроля, относились к поздним (от 34 недель до 36 недель 6 дней).

Заключение

1. Установлена ассоциация изучаемых полиморфных вариантов генов с истмико-цервикальной недостаточностью у пациенток с недифференцированной дисплазией соединительной ткани: у женщин основной группы статистически значимо чаще в сравнении с пациентками контрольной группы регистрировались генотип G/G полиморфизма A-8202G, (rs11697325) гена

ММР9 и генотип Arg/Pro полиморфного локуса Arg25Pro (rs1800471) гена TGF β 1 (OP=4,00; 95% ДИ 1,23-12,98; p=0,02; и OP=3,75; 95% ДИ 1,88-7,47; p<0,0001 соответственно), что позволяет рассматривать указанные генотипы в качестве маркеров высокой вероятности развития ИЦН у данной когорты пациенток.

2. У женщин контрольной группы статистически значимо чаще имел место генотип Arg/Arg полиморфного локуса Arg25Pro (rs1800471) гена TGFβ1 (OP=0,29; 95% ДИ 0,15-0,6; p<0,0001), что можно расценить как «протективный» эффект в отношении ИЦН.

Таким образом, молекулярно-генетическое типирование полиморфных вариантов A-8202G (rs11697325) гена ММР9 и Arg25Pro (rs1800471) гена ТGFβ1 позволит на прегравидарном этапе и на ранних сроках беременности сформировать группы высокого риска по развитию истмико-цервикальной недостаточности у пациенток с НДСТ, разработать индивидуальные рекомендации по профилактике и ранней диагностике данного гестационного осложнения, повысить эффективность его лечения и, таким образом, улучшить акушерский и перинатальный прогнозы.

Финансирование: Настоящее исследование выполнено в рамках внутриуниверситетского научного стартап-гранта для молодых ученых учреждения образования «Витебский государственный ордена Дружбы народов медицинский университет» 2019 года.

Financing: This research was carried out within the frames of intra-University scientific startup-grant for young scientists of «Vitebsk State order of Peoples' Friendship medical University» in 2019.

Литература

- Сидельникова, В. М. Невынашивание беременности : рук. для практикующих врачей / В. М. Сидельникова, Т. Г. Сухих. – Москва : МИА, 2010. – 536 с.
- Vink, J. Cervical etiology of spontaneous preterm birth / J. Vink, H. Feltovich // Semin. Fetal. Neonatal Med. – 2016 apr. – Vol. 21, N 2. – P. 106–112.
- Collagen 1ά1 and Transforming Growth Factor-β
 Polymorphisms in Women With Cervical Insufficiency / J.
 E. Warren [et al.]. 2007 Sep. Vol. 110, N 3. P. 619–624.
- 4. Petersen, L. K. Cervical collagen in non-pregnant women with previous cervical incompetence / L. K. Petersen, N. Uldbjerg // Eur. J. Obstet. Gynecol. Reprod. Biol. 1996 Jul. Vol. 67, N 1. P. 41–45.
- Cross-linked collagen in the cervix of pregnant women with cervical insufficiency / D. Schlembach [et al.] // Am. J. Obstet. Gynecol. – 2003 Dec. – Vol. 189, N 6, suppl. – P. S70.
- Cervical collagen is reduced in non-pregnant women with a history of cervical insufficiency and a short cervix / I. Sundtoft [et al.] // Acta Obstet. Gynecol. Scand. – 2017 Aug. – Vol. 96, N 8. – P. 984–990.
- Гурбанова, С. Р. Возможности оптимизации акушерской тактики ведения беременности и родов у пациенток с истмико-цервикальной недостаточностью и маркерами недифференцированной дисплазии соединительной ткани / С. Р. Гурбанова // Вестн. РУДН. Сер. Медицина. – 2009. – № 6. – С. 196–200.
- 8. Cervical Collagen Network Remodeling in Normal

- Pregnancy and Disrupted Parturition in Antxr2 Deficient Mice / K. Yoshida [et al.] // J. Biomech. Eng. 2014 Feb. Vol. 136, N 2. P. 021017.
- Фролов, А. Л. Роль маркеров дисплазии соединительной ткани в развитии истмико-цервикальной недостаточности при беременности / А. Л. Фролов, В. А. Кулагин, М. В. Никифорова // Мать и дитя в Кузбассе. 2014. № 3. С. 54–56.
- Maternal race/ethnicity and cervical insufficiency / L. Davidson [et al.] // Am. J. Obstet. Gynecol. – 2016 Jan. – Vol. 214, N 1, suppl. – P. S441.
- 11. Pregnancy outcomes in women with ehlers-danlos syndrome / L. Nicholls-Dempsey [et al.] // Am. J. Obstet. Gynecol. 2019 Jan. Vol. 220, N 1. P. S381–S382.
- Национальные клинические рекомендации Российского научного медицинского общества терапевтов по диагностике, лечению, реабилитации пациентов с дисплазиями соединительной ткани (первый пересмотр) // Мед. вестн. Север. Кавказа. 2018. Т. 13, № 1/2. С. 137–209.
- 13. Масленников, А. В. Течение беременности у женщин с недифференцированной дисплазией соединительной ткани / А. В. Масленников, А. Г. Ящук, И. Р. Тимершина // Мед. вестн. Башкортостана. 2014. Т. 9, № 3. С. 55—58.
- A role for matrix metalloproteinase-9 in spontaneous rupture of the fetal membranes / N. Athayde [et al.] // Am. J. Obstet. Gynecol. – 1998 Nov. – Vol. 17, N 5. – P. 1248– 1253.
- 15. The value of cervical length and plasma proMMP-9 levels for the prediction of preterm delivery in pregnant women presenting with threatened preterm labor / D. Botsis [et al.] // Eur. J. Obstet. Gynecol. Reprod. Biol. 2006 Sep-Oct. Vol. 128, N 1/2. P. 108–112.
- Рудой, А. С. ТGF-beta-зависимый патогенез синдрома Марфана и родственных наследственных нарушений соединительной ткани / А. С. Рудой // Артер. гипертензия. – 2009. – Т. 15, № 2. – С. 223–226.

Поступила 14.02.2020 г. Принята в печать 01.06.2020 г.

References

- Sidel'nikova VM, Sukhikh TG. Miscarriage: ruk dlia praktikuiushchikh vrachei. Moscow, RF: MIA; 2010. 536 p. (In Russ.)
- Vink J, Feltovich H. Cervical etiology of spontaneous preterm birth. Semin Fetal Neonatal Med. 2016 Apr;21(2):106-12. doi: 10.1016/j.siny.2015.12.009
- Warren JE, Silver RM, Dalton J, Nelson LT, Branch DW, Porter TF. Collagen 1ά1 and Transforming Growth Factor-β Polymorphisms in Women With Cervical Insufficiency. Obstet Gynecol. 2007 Sep;110(3):619-24. doi: 10.1097/01. AOG.0000277261.92756.1a
- 4. Petersen LK, Uldbjerg N. Cervical collagen in non-pregnant women with previous cervical incompetence. Eur J Obstet Gynecol Reprod Biol. 1996 Jul;67(1):41-5. doi: 10.1016/0301-2115(96)02440-2
- Schlembach D, Maul Y, Fittkow C, Olson G, Saade G, Garfield R. Cross-linked collagen in the cervix of pregnant women with cervical insufficiency. Am J Obstet Gynecol.

- 2003 Dec;189(6 Suppl):S70. doi:10.1016/j.ajog.2003.10.034
- Sundtoft I, Langhoff-Roos J, Sandager P, Sommer S, Uldbjerg N. Cervical collagen is reduced in non-pregnant women with a history of cervical insufficiency and a short cervix. Acta Obstet Gynecol Scand. 2017 Aug;96(8):984-990. doi: 10.1111/aogs.13143
- Gurbanova SR. Opportunities for optimizing obstetric management of pregnancy and childbirth in patients with isthmic-cervical insufficiency and markers of undifferentiated connective tissue dysplasia. Vestn RUD. Ser Meditsina. 2009;(6):196-200. (In Russ.)
- Yoshida K, Reeves C, Vink J, Kitajewski J, Wapner R, Jiang H, et al. Cervical Collagen Network Remodeling in Normal Pregnancy and Disrupted Parturition in Antxr2 Deficient Mice. J Biomech Eng. 2014 Feb;136(2):021017. doi: 10.1115/1.4026423
- Frolov AL, Kulagin VA, Nikiforova MV. The role of markers of connective tissue dysplasia in the development of isthmiccervical insufficiency during pregnancy. Mat' Ditia Kuzbasse. 2014;(3):54-6. (In Russ.)

- Davidson L, Tucker L-Y, Postlethwaite D, Greenberg M. Maternal race/ethnicity and cervical insufficiency. Am J Obstet Gynecol. 2016 Jan;214(1 Suppl):S441. doi: 10.1016/j. ajog.2015.10.896
- Nicholls-Dempsey L, Spiegel E, Czuzoj-Shulman N, Abenhaim HA. Pregnancy outcomes in women with ehlers-danlos syndrome. Am J Obstet Gynecol. 2019 Jan;220(1):S381-2. doi: 10.1016/j.ajog.2018.11.596
- National clinical recommendations of the Russian Scientific Medical Society of Therapists in the diagnosis, treatment, and rehabilitation of patients with connective tissue dysplasia (first review). Med Vestn Sever Kavkaza. 2018;13(1-2):137-209. (In Russ.)
- Maslennikov AV, Yashchuk AG, Timershina IR. Pregnancy in women with undifferentiated connective tissue dysplasia.

- Med Vestn Bashkortostana. 2014;9(3):55-8. (In Russ.)
- Athayde N,Edwin SS, Romero R, Gomez R, Maymon E, Pacora P, et al. A role for matrix metalloproteinase-9 in spontaneous rupture of the fetal membranes. Am J Obstet Gynecol. 1998 Nov;179(5):1248-53. doi: 10.1016/s0002-9378(98)70141-3
- 15. Botsis D, Makrakis E, Papagianni V, Kouskouni E, Grigoriou O, Dendrinos S, et al. The value of cervical length and plasma proMMP-9 levels for the prediction of preterm delivery in pregnant women presenting with threatened preterm labor. Eur J Obstet Gynecol Reprod Biol. 2006 Sep-Oct;128(1-2):108-12. doi: 10.1016/j.ejogrb.2005.10.022
- 16. Rudoy AS. TGF-beta-dependent pathogenesis of Marfan syndrome and related hereditary connective tissue disorders. Arter Gipertenziia. 2009;15(2):223-6. (In Russ.)

Submitted 14.02.2020 Accepted 01.06.2020

Сведения об авторах:

Кононенко И.С. – ассистент кафедры акушерства и гинекологии, Витебский государственный ордена Дружбы народов медицинский университет,

ORCID: https://orcid.org/0000-0002-4915-8269.

Information about authors:

Kononenko I.S. – lecturer of the Chair of Obstetrics and Gynecology, Vitebsk State Order of Peoples' Friendship Medical University,

ORCID: https://orcid.org/0000-0002-4915-8269.

Адрес для корреспонденции: Республика Беларусь, 210009, г. Витебск, пр. Фрунзе, 27, Витебский государственный ордена Дружбы народов медицинский университет, кафедра акушерства и гинекологии. E-mail: IrynaKananenka@yandex.by – Кононенко Ирина Сергеевна.

Correspondence address: Republic of Belarus, 210009, Vitebsk, 27 Frunze ave., Vitebsk State Order of Peoples' Friendship Medical University, Chair of Obstetrics and Gynecology. E-mail: IrynaKananenka@yandex.by – Irina S. Kononenko.